

Ingegneria

- [Home](#)
- [Chi siamo](#)
- - **Direttore Responsabile: Giuliano De Risi**

Video Musicali

Da oggi tantissimi video sono gratis e a schermo intero
www.yalp.alice.it

Musica Gratis?

1 Suoneria in 30 secondi. Dalle Hits della Radio al Cellulare
www.Zig.it

Gruppi

News e Foto su gruppi Scopri le pagine dedicate su Excite
musica.excite.it/gruppi

Anúncios Google

« [UNIVERSITA' ROMA: GUARINI FESTEGGIA ADDIO. FRATI POLE POSITION](#)
[AUTOMOBILISMO: IN PISTA A MODENA VETTURA CORSA DELL'UNICAL](#) »

RICERCA: ATASSIA, ICGEB TRIESTE SNIDA RESPONSABILI MALATTIA

(AGI) - Trieste, 16 lug. - I ricercatori del Centro Internazionale di Ingegneria Genetica e Biotecnologia (Icgeb) di Trieste hanno fatto luce sui meccanismi cellulari responsabili dell'insorgenza dell'atassia di Friedreich, una malattia genetica ereditaria che comporta nel tempo un progressivo danneggiamento al sistema nervoso. La ricerca, da poco pubblicata sulla prestigiosa rivista internazionale 'American Journal of Human Genetics', e' stata svolta anche grazie al sostegno dell'Airc (Associazione Italiana per la Ricerca sul Cancro) e della Fondazione Italiana per la Fibrosi Cistica. Era gia' noto che l'atassia e' causata dalla mutazione di un gene localizzato nel cromosoma 9, il gene FXN responsabile della sintesi della proteina 'frataxina'. L'equipe guidata da Franco Pagani, responsabile del Laboratorio di Genetica Molecolare Umana dell'Icgeb, ha scoperto quali anomalie molecolari intervengono durante la sintesi della proteina frataxina a seguito delle mutazione del gene Fxn. Negli individui normali questo gene contiene una sequenza di 40 'triple' di basi nucleotidiche, si presenta cioe' come un 'treno di 40 vagoni'; nei soggetti malati invece queste triple vengono ripetute fino ad alcune centinaia e il gene Fxn risulta molto piu' lungo del normale. 'La presenza di centinaia di triple di basi nucleotidiche nel gene Fxn - spiega Pagani - non blocca, come si pensava, la 'lettura' o la 'trascrizione' del 'messaggio' portato dal gene, ma provoca un difetto nel processo di biosintesi del precursore della proteina (il 'frataxina pre-mRNA')'. In pratica la presenza di 'troppi vagoni' non permette di eseguire un corretto completo 'taglia e cuci' del prodotto di sintesi, altera cioe' quei meccanismi cellulari di 'rifinitura' che portano ad avere un precursore della proteina corretto e sano. 'A causa della mutazione genica - prosegue Pagani - viene prodotto un 'frataxina pre-mRNA' che presenta una struttura molecolare modificata, in parte incompleta rispetto al normale. Questa sua incompletezza lo rende non idoneo a innescare a sua volta la sintesi della frataxina, la proteina che regola il flusso del ferro all'interno della centrale respiratoria della cellula (i mitocondri)'. I soggetti malati di atassia producono infatti poca frataxina e subiscono conseguentemente un accumulo di ferro nelle cellule che alla lunga provoca disfunzioni nel sistema nervoso e l'insorgenza della malattia. 'Poter avere una maggiore comprensione dei meccanismi molecolari che sovrintendono le sintesi proteiche in casi di anomalie genetiche - conclude Pagani - e' fondamentale per capire come insorgono e si sviluppano numerose malattie neurodegenerative e potra' contribuire a mettere a punto nuove strategie terapeutiche'. (AGI)

Cli/Ts/Dos

Questo articolo è stato pubblicato il Wednesday, July 16th, 2008 alle 3:19 pm ed è archiviato nella categoria [Ingegneria](#)
 Puoi lasciare un commento. Il Pinging non è permesso.

Copyright 2006 AGI spa P. IVA 00893701003

[Realizzazione portali](#) www.tradenet.it

[Privacy Policy](#)